

## 6種で保存された領域

PsmA	1	-----MTELTDITGP GT P A E F V A F E D D R T C F Y H P P T G Y G P L R D G R S L S R V T L E D G R E V W M	55
BpmA	1	-----VTEAI PY F Q N R T C P Y H P P A A Y C P L R G A G P L S H V T F Y D G R K V W A	43
TpmA	1	-----M T D T D L T E L S D P V S F P Q D R S C P Y H P P T G Y D P L R T E R P P A I R I L Y D G R P A W L	52
CYP105D1	1	M T E S T D P A R Q N L D P T S P A P A T S F P Q D R G C P Y H P P A G Y A P L R E G R P L S R V T L E D G R P V W A	60
CYP105D4	1	-----M T D T D T T T N T H P A A P V A F K D D R T C P Y H P P A A Y D P L R T A R P L A R I T L E D G R F A W L	54
CYP105D5	1	M T D T D T T T N T D T T N T H P A A P V A F F Q D D R T C P Y H P P A A Y D P L R A A P L A R I T L E D G R P A W L	60
PsmA	56	VTGHAT A R A L I A D P R L S T D R T F L P G F E V P T A R F A A V R D R R V A I I L G V D D F V H Q T Q R R M I P S	115
BpmA	44	VTGHAT E A R A L I I D Q R L S A D R Q N P A F F V P F E R F A I R R V R T F L I I G V D D F E H N T Q R R M I P S	103
TpmA	53	VTGHAV A R D L L V D E R L S T D R T R S G F P A T T P R E A A V R D R K P A L L G V D D P K H R T Q R W M M I P S	112
CYP105D1	61	VTGH A A R R L I A D P R L S T D R T R S H P D F E V P A E R F A G A Q Q R R V A L L G V D D F E H N T Q R R M I P T	120
CYP105D4	55	VTGH A A A R R L I A D Q R L S T D R T R D G F F A T S A R I L A A V R R E R T A L L G V D D F E H R A Q R R M V I P E	114
CYP105D5	61	VTGH A A A R R L I A D Q R L S T D R T R D G F F A T S A R I L A A V R R E R T A L L G V D D F E H R A Q R R M V I P E	120
PsmA	116	F T L K R A A G L R E T I Q O R T V D G I L L D A M I E K G F P A E L V S A F A L P V P S V W I C O L L G V P Y A D H E F F	175
BpmA	104	F S L K R T A A L R P E I Q R I V D G I L L D R M L D Q G P P T E L V S A F A L P V P S M V I C A L L G V P Y A D H E F F	163
TpmA	113	F T L R R A T E I L R P R I Q E I V D E I L L D V M I A Q G P P A D L V R S F A L P V P S M V I C A L L G V P Y A D H E F F	172
CYP105D1	121	F S V K R I G A L R P R I Q E T V D R I L D A M E R Q G P P A E L V S A F A L P V P S M V I C A L L G V P Y A D H A F F	180
CYP105D4	115	F T L K R A G A L R P S I R R I V G E R L D A M I A Q G P P A D L V T A F A L P V P S M V I C A L L G V P Y A D H E F F	174
CYP105D5	121	F T L K R A G A L R P S I R R I V G E R L D A M I A Q G P P A D L V T A F A L P V P S M V I C A L L G V P Y A D H E F F	180
PsmA	176	E E Q S R T I L L R G P T A A D S Q G A R E R F E E Y L G G I I D D R E R Q A E P G D G V L D D L V H Q R I R T G E I D R	235
BpmA	164	E E E S R R I I L R G R S A E E A D A R L K L E E Y F T G L I A A K E K N P -- G D G I L L D E L I E D R I L R T G A L T R	221
TpmA	173	E D Q S R R I I L R G P A A E D T Q D A R D R L A A Y L E D L I D E K R R R P -- G D G I L L D E L V Q Q R I L N E G E I D R	230
CYP105D1	181	E E R S Q R I I L R G P G A D D V N R A R D E L E E Y L G A L I D R K R A E P -- G D G I L L D E L I H R D H P D G P V D R	238
CYP105D4	175	E E Q S R R I I L R G P L P A D T R D A R D R L E A Y L G E L I D R K R R A P -- G E G I L L D D I L V R R Q A S E G A T D R	232
CYP105D5	181	E E Q S R R I I L R G P L P A D T R D A R D R L E A Y L G E L I D R K R R A P -- G E G I L L D D I L V R R Q A S E G A T D R	238
PsmA	236	R D V V A I A V I L I V A G H E T T A N M I S L G T Y T I I R H P G R I A E I R A D P A L L P A A V E E I M R M L S I A	295
BpmA	222	D E L V R L A M I L L V A G H E T T A N M I S L G T Y T I I I D H P E Q L A Q L K A D E G I M P A A I E E I I L R F L S I A	281
TpmA	231	E E L T A L A M I L L V A G H E T T A N M I S L G T Y T I I I H P E R I L T E I R A D P A L L P A A V E E I M R M L S I A	290
CYP105D1	239	E Q L V A F A V I L I V A G H E T T A N M I S L G T Y T I I I H P E Q L A A I R R A G G T S T A V V V E E I I L R F L S I A	298
CYP105D4	233	E Q L I A F A V I L I V A G H E T T A N M I S L G T Y T I I I T N P G R I A E I R A D P A L L P G A V E E I M R V I L S I A	292
CYP105D5	239	E Q L I A F A V I L I V A G H E T T A N M I S L G T Y T I I I T N P G R I A E I R A D P A L L P G A V E E I M R V I L S I A	298
PsmA	296	D G I I I R L A A L E D I E I A G A T I R A G E G V I F S T S I L I N R D E S V F D D P D T I L D F H R S T R H H V A F G F G I	355
BpmA	282	D G I I I R N A T E D I E I I G G Q V I R A D D A V I L F P A S L I N R D E A A Y P A P D E L D L G R S A R H H V A S G F G I	341
TpmA	291	D G I I I R Q A T E D I E I A G T T I R A G D G V V F S T S I V I N R D E D V Y P A P D T I L D F H R S T R H H V A F G F G I	350
CYP105D1	299	E G I Q R I A T E D I E V D G A T I R K G E C V V F S T S I L I N R D A D V F P R A E T I L D W D R P A R H H I A F G F G V	358
CYP105D4	293	D G I I I R M A T E D I D V D G Q T I R A G D G V V F S T S I V I N R D E S V Y P E F D A L D W H R P A R H H V A F G F G I	352
CYP105D5	299	D G I I I R M A T E D I D V D G Q T I R A G D G V V F S T S I V I N R D E S V Y P E P D A L D W H R P A R H H V A F G F G I	358
PsmA	356	H Q C L G Q N L A R A E E I A L G T I L L E I R L P G L R L A A P A E E I P F K P G D T I I Q G M L E L P V T W	409
BpmA	342	H Q C L G Q N L A R A E E M E I A L R S I F T R I P Q L R L A V P A A E I P F K P G D T I I Q G M L E L P V T W	395
TpmA	351	H Q C L G Q N L A R A T E L E I A L R T I L L E I R L P L R L A A P A E E I P F K P G D T I I Q G M L E L P V S W	404
CYP105D1	359	H Q C L G Q N L A R A E E I A L M R T I L F E R I L P G L R L A V P A H E I R H K P G D T I I Q G M L E L P V A W	412
CYP105D4	353	H Q C L G Q N L A R A E E I A L E S I F D R I L P T I L R L A A P A D E I P F K P G D T I I Q G M L E L P V A W	406
CYP105D5	359	H Q C L G Q N L A R A E E I A L E S I F D R I L P T I L R L A A P A D E I P F K P G D T I I Q G M L E L P V A W	412